

# INTERPRETATION TABLE

## DQA1 SSP typing

Amplification patterns of the DQA1\*01:01 to \*06:02 alleles

	Well <sup>5</sup>															
	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12	13	14	15	16
Length of spec.	145	170	145	170	220	100	95	65	175	185	215	225	225	125	165	90
PCR product(s)																
Length of int.	515	515	430	430	430	430	430	430	430	430	430	515	515	430	430	430
pos. control <sup>1</sup>																
5'-primer(s) <sup>2</sup>	34(169)	25(143)	34(169)	25(143)	-7(49)	199(664)	25(143)	-7(49)	7(90)	7(90)	-6(53)	99(366)	99(366)	25(143)	34(169)	59(245)
	5'-Agg 3'	5'-gTA 3'	5'-AgC 3'	5'-gTT 3'	5'-CCA 3'	5'-gCA 3'	5'-gTA 3'	5'-CCg 3'	5'-CAC 3'	5'-CAT 3'	5'-gAC 3'	5'-CCC 3'	5'-CCC 3'	5'-gTA 3'	5'-AgC 3'	5'-CCg 3'
								5'-CCg 3'								
3'-primer(s) <sup>3</sup>	69(274)	69(274)	69(274)	69(274)	1 <sup>st</sup> I	218(722)	44(199)	2(74)	52(224)	55(232)	1 <sup>st</sup> I	160(548)	160(548)	53(226)	75(293)	75(293)
	5'-TgC 3'	5'-TgC 3'	5'-TgC 3'	5'-TgC 3'	5'-TTT 3'	5'-CTT 3'	5'-AgC 3'	5'-TgT 3'	5'-TgT 3'	5'-TCT 3'	5'-TTT 3'	5'-CAT 3'	5'-CAG 3'	5'-TTg 3'	5'-gAC 3'	5'-gAC 3'
													5'-CAG 3'			
Well No.	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12	13	14	15	16
DQA1 allele <sup>4</sup>																
*01:01:01-01:01:02	1	2						8					13			
*01:02:01-01:02:03		2	3					8					13			
*01:02:04		2	3										13			
*01:03			3	4				8					13			
*01:04:01-01:04:02	1	2			5	6							13			
*01:05	1	2			5								13			
*01:06		2	3		?	?	7	?					13			
*01:07	1	2			5	6							13			
*02:01								8	9				13			
Well No.	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12	13	14	15	16

Length of spec.	145	170	145	170	220	100	95	65	175	185	215	225	225	125	165	90
PCR product(s)																
Well No.	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12	13	14	15	16
*03:01:01								8		10			13			
*03:02								8		10	11	12				
*03:03								8		10		12				
*04:01:01								8					13	14		
*04:01:02								8						14		
*04:02								8					13	14		
*04:03N								8					13			
*04:04								8					13	14		
*05:01:01-05:01:02								8					13	14	15	
*05:02								8					13	14	15	16
*05:03								8					13	14	15	
*05:04								8					13	14	15	
*05:05								8					13	14	15	
*05:06								8					13	14	15	
*05:07								8					13	14	15	
*05:08								8					13	14	15	
*05:09								8					13	14	15	
*05:10								8					13	14		
*06:01:01-06:01:02								8					13			
*06:02								8					13			
DQA1 allele <sup>4</sup>																
Well No.	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12	13	14	15	16

# INTERPRETATION TABLE

## DQA1 SSP typing

Amplification patterns of the DQA1\*01:01 to \*06:02 alleles

Well <sup>5</sup>																
17	18	19	20	21	22	23	24	25	26	27	28	29	30	31	32	
200	200	205	135	100	120	85	220	80	160	90	105	160	215	100	135	Length of spec.
								175								PCR product(s)
430	430	430	430	430	515	430	430	430	430	430	430	430	430	430	430	Length of int.
																pos. control <sup>1</sup>
107(389)	107(389)	21(131)	21(131)	-13(31)	25(143)	32(165)	up <sup>6</sup>	-13(31)	34(169)	53(226)	153(526)	99(366)	102(373)	189(634)	107(389)	5'-primer(s) <sup>2</sup>
5'-CAT <sup>3'</sup>	5'-CAT <sup>3'</sup>	5'-TCC <sup>3'</sup>	5'-TCT <sup>3'</sup>	5'-ggA <sup>3'</sup>	5'-gTT <sup>3'</sup>	5'-gAC <sup>3'</sup>	5'-ACT <sup>3'</sup>	5'-ggA <sup>3'</sup>	5'-AgC <sup>3'</sup>	5'-gAT <sup>3'</sup>	5'-gTC <sup>3'</sup>	5'-CCC <sup>3'</sup>	5'-CAg <sup>3'</sup>	5'-CTA <sup>3'</sup>	5'-CAT <sup>3'</sup>	
								34(169)	101(372)							
								5'-Agg <sup>3'</sup>	5'-ACg <sup>3'</sup>							
160(547)	160(547)	75(293)	52(223)	1 <sup>st</sup> I	52(223)	47(208)	-13(31)	1(70)	77(298)	69(274)	174(591)	139(484)	160(547)	208(691)	139(485)	3'-primer(s) <sup>3</sup>
5'-AgC <sup>3'</sup>	5'-AgA <sup>3'</sup>	5'-gAC <sup>3'</sup>	5'-TCT <sup>3'</sup>	5'-TgC <sup>3'</sup>	5'-TCT <sup>3'</sup>	5'-ACA <sup>3'</sup>	5'-ggC <sup>3'</sup>	5'-TTT <sup>3'</sup>	5'-AAC <sup>3'</sup>	5'-TgT <sup>3'</sup>	5'-TCg <sup>3'</sup>	5'-gCg <sup>3'</sup>	5'-AgA <sup>3'</sup>	5'-gCA <sup>3'</sup>	5'-AgA <sup>3'</sup>	
								79(304)	138(482)							
								5'-gCA <sup>3'</sup>	5'-TgA <sup>3'</sup>							
17	18	19	20	21	22	23	24	25	26	27	28	29	30	31	32	Well No.
																DQA1 allele <sup>4</sup>
							24									*01:01:01-01:01:02
							24									*01:02:01-01:02:03
							24									*01:02:04
							24									*01:03
							24									*01:04:01-01:04:02
							24									*01:05
							24									*01:06
							24	25								*01:07
							w									*02:01
17	18	19	20	21	22	23	24	25	26	27	28	29	30	31	32	Well No.

200	200	205	135	100	120	85	220	80	160	90	105	160	215	100	135	Length of spec.
								175								PCR product(s)
17	18	19	20	21	22	23	24	25	26	27	28	29	30	31	32	Well No.
							24									*03:01:01
							24									*03:02
							24									*03:03
						23	24									*04:01:01
						23	24									*04:01:02
						23	24		26							*04:02
						23	24			27						*04:03N
						23	24				28					*04:04
17		19					24									*05:01:01-05:01:02
?	?	19		?			?									*05:02
	18	19					24									*05:03
?	?		20	?			?									*05:04
17		19		21												*05:05
	18	19					24						30			*05:06
	18	19					24							31		*05:07
17		19		21											32	*05:08
17		19		21				25								*05:09
17				?			?		26							*05:10
					22	23	24									*06:01:01-06:01:02
					22	23	24					29				*06:02
																DQA1 allele <sup>4</sup>
17	18	19	20	21	22	23	24	25	26	27	28	29	30	31	32	Well No.